

論 文

コレステロール-フルラン分子集合体と牛血清アルブミンとの 相互作用に関する熱的研究

三井佳和*, 児玉美智子*, 西川雄大**, 秋吉一成**, 砂本順三**

(平成7年2月20日受理)

Thermodynamic Characterization of Interaction between Self-Aggregates of Cholesterol-bearing Pullulan and Bovine Serum Albumin

Yoshikazu Mitsui*, Michiko Kodama*, Takehiro Nishikawa**, Kazunari Akiyoshi** and
Junzo Sunamoto**

(Received Febraly 20, 1995)

Based on the fact that a self-aggregate of hydrophobized pullulan containing 1.7 cholesterol groups per 100 glucose units (CHP) incorporates water-soluble proteins into its hydrogel core in aqueous medium¹⁻³⁾, the interaction between the CHP self-aggregate and bovine serum albumin (BSA) was investigated by high-sensitivity differential scanning calorimetry, high-sensitivity isothermal titration calorimetry and circular dichroism spectroscopy. The isothermal calorimetric technique at 25 °C showed that an incorporation of BSA into the CHP aggregate is exothermic, characterized by the enthalpy change (ΔH_b) of -98kJ·mol⁻¹ of BSA, the binding constant of 8.5×10^7 M⁻¹ and the saturation stoichiometry equivalent of 1 BSA molecule for every 11 CHP molecules constructing one self-aggregate. Additional techniques indicated that the incorporated BSA shows a decrease of helix content by about 10 % and no thermal N-D transition on heating up to 100 °C. These results suggested that the present reaction is due to an enthalpic contribution (negative value of ΔH_b) associated with a conformational change of the CHP aggregate as a host on incorporating the guest BSA, mostly likely in a way such as a formation of intermolecular hydrogen bonding between the CHP polysaccharide chains and the hydrophilic protein. As a result, hydrogen bonded BSA was considered to be thermally stabilized at least up to 100 °C.

1. 緒 言

生体は、多糖類、タンパク質、核酸および脂質などの生体

高分子から構成されている。これらの高分子の主鎖や側鎖に官能基や金属イオンなどを導入してつくられる機能性高分子が、医薬分野の材料として、今日、大変注目を集めてい

* 岡山理科大学理学部生物化学科：〒700 岡山市理大町1-1

Department of Biochemistry, Okayama University of Science, 1-1 Ridai-cho, Okayama 700, Japan

** 京都大学大学院工学研究科合成・生物化学教室：〒606-01 京都市左京区吉田本町

Division of Synthetic Chemistry & Biological Chemistry, Graduate School of Engineering, Kyoto University, Yoshida-Honmachi, Sakyo-ku, Kyoto 606-01, Japan

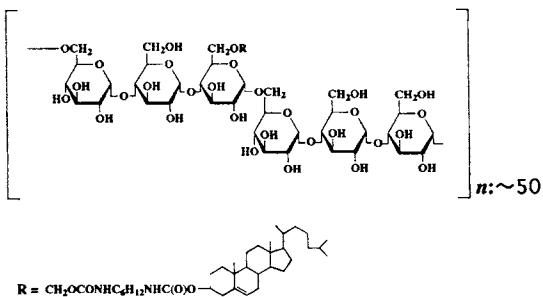


Fig.1 Structure of cholesterol-bearing pullulan (CHP). n indicates the number of a repeated saccharide-chain unit shown by [].

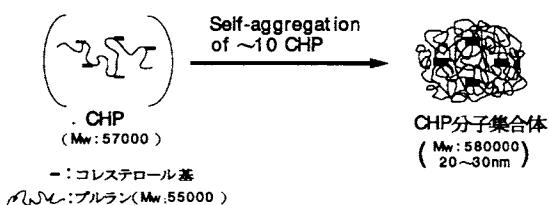


Fig.2 Schematic illustration showing a formation of CHP self-aggregates in aqueous medium.

る¹⁾。これに関連して砂本らのグループ（京都大学・工学部）は、天然多糖ブルラン（重量平均分子量： ~ 55000 , $n = \sim 50$ ）の水酸基部分に疎水基—コレステロール基を導入したコレステロール置換ブルラン誘導体（Fig.1 参照、以後CHPと略す）を開発した²⁾。彼等は、このCHPを水溶液中に懸濁すると約10分子が会合して粒径20～30nmの分子集合体（会合体分子量： ~ 58 万）を形成することを明らかにしている（Fig.2 参照）²⁾。さらに、彼等はこのCHP分子集合体が種々の水溶性タンパク質（牛血清アルブミン、 α -キモトリプシンなど）を内部に選択的に取り込む（包接する）特性を有することも明らかにしている³⁾。

本研究においては、このCHP分子集合体がタンパク質を取り込む機構や、取り込まれた後のタンパク質の構造変化・安定性を化学熱力学的立場から解明するために、高感度恒温滴定型熱量測定および高感度示差走査熱量測定を行った。タンパク質としては、牛血清アルブミンを用いたが、このタンパク質の構造的知見を得るために円偏光二色性スペクトル測定も行った。

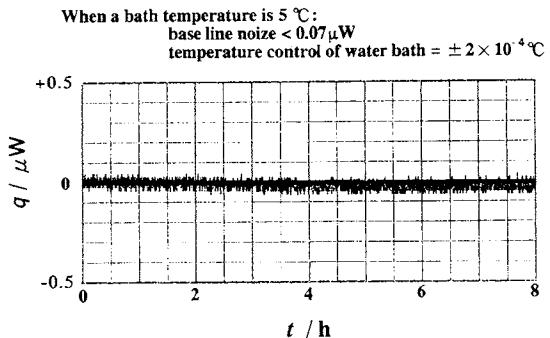


Fig.3 Base-line noise of TAM measured at 5°C over 8 hours with stirring at 30 rpm.

2. 実験

2.1 コレステロール置換フルラン誘導体 (CHP) 溶液の調製

本研究においては100単糖当たり1.7個のコレステロール基を含むCHPを用いたが、これは、砂本らによって合成された²⁾。このCHPを10mM リン酸Na 塩緩衝溶液(pH=7.00)に温度50℃で12時間膨潤させた後、プローブ型ソニケーター(TOMY,UR-200P)を用いて出力40Wの超音波照射を20分間施すことでCHP分子集合体溶液を調製した²⁾。また、CHP濃度はフェノール硫酸法によって決定した⁴⁾。

2.2 生血清アルブミン (BSA) 溶液の調製

牛血清アルブミン (Code No.250010 Lot No.86) は Miles 社から購入した。この BSA 内に 1 つ存在するシステイン残基 (-SH 基) は、BSA 分子間の S-S 結合をつくりやすい。そこで、この反応を阻止するために、ヨードアセトアミド (ナクライテスク, SH 基蛋白質研究用試薬) を用いて -SH 基を -SCH₂CONH₂ に置換した⁵⁾。次に、この BSA 溶液を Pharmacia LKB 社製 Sephadryl S-200HR カラム (2.5 × 100cm) を用いてゲルろ過し、単量体 BSA のみを分取した。さらに、この試料を全自动水平型電気泳動システム (Phast System, Pharmacia LKB 社製) を用いて電気泳動し、単量体 BSA であることを再確認した⁵⁾。本研究においては、この単量体 BSA を用いた。また、BSA 濃度は、280 nm の吸光度から吸光度係数 A^{1mol/cm} = 44.500 (A^{1%}_{1cm} = 6.67) を用いて算出した⁶⁾。

2.3 高感度恒温滴定型熱量測定

高感度恒温滴定型熱量測定はThermoMetric社製の高感度恒温熱量計(TAM)を滴定モードで使用することで行った⁷⁾。Fig.3に示すように、この装置の基線のノイズレベルは温度5℃において<0.07 μWである。また、この測定に際しての試料の注入操作、データの取り込みおよび解析は

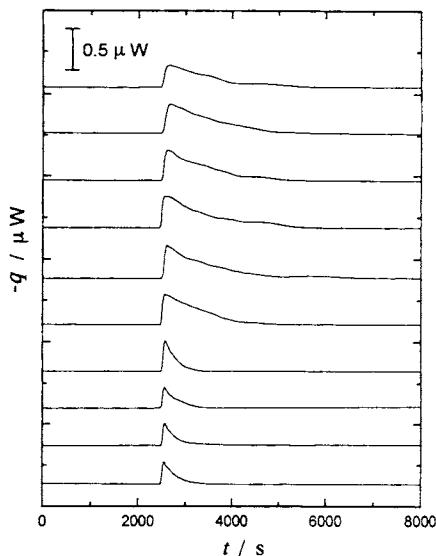


Fig.4 Calorimetric record from the titration of CHP self-aggregates with BSA. 20 μl BSA solution (3.3 nmol) was injected in each step. The amount of CHP in the calorimetric cell is 0.21 μmol .

すべてIBMコンピューターの制御下で行った。

2.4 高感度示差走査熱量測定

高感度示差走査熱量測定(DSC)は、Microcal社製(U.S.A.)MC-2型高感度示差走査熱量計を用いて行った。この測定でのデータの取り込み、解析および熱量計の制御は、A/D-converter(Data Translation DT-2801)内蔵のIBM-PS2 computerの制御下で行った。また、測定に用いた昇温速度は45 $^{\circ}\text{C} \cdot \text{h}^{-1}$ である。

2.5 円偏光二色性(CD)スペクトル測定

円偏光二色性スペクトル測定は日本分光社製J-720を用いて温度25 $^{\circ}\text{C}$ で行った。

3. 結果と考察

Fig.4は温度25 $^{\circ}\text{C}$ で行った高感度恒温滴定型熱量測定の結果を示す。本実験においては、CHP分子集合体溶液(CHP濃度：68.9 μM 、全量3 ml)を含む熱量計セル中に専用のシリンジ(HAMILTON、250 μl)を用いて、BSA溶液(BSA濃度：165.4 μM)を以下の条件で計10回注入した；注入量：20 μl 、注入間隔：2時間、注入速度：0.5 $\mu\text{l}/\text{s}$ 。**Fig.4**は1回から10回の注入毎の熱量変化($-q/\mu\text{W}$)を上から順に示す。BSAを注入すると長時間(～1時間)に渡っての発熱ピークが観察された。注入毎の測定熱量($Q_{\text{cal}}/\mu\text{J}$)は、注入回数の増大に伴って次第に減少し、8回目からの注入ではほぼ一定値を示した。そこで、(1)式に

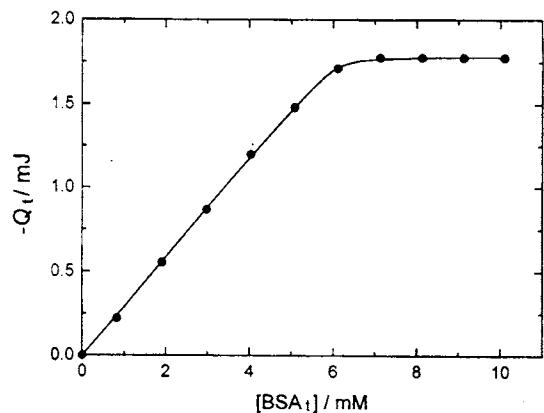


Fig.5 The sum of experimental heat quantities, Q_t , associated with incorporation of BSA into CHP self-aggregates as a function of the total BSA concentration, $[BSA_t]$. The solid line is the best-fitted curve to eq. (6).

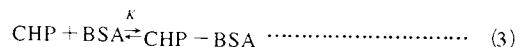
したがって目的とする注入毎でのCHP-BSAの反応熱($Q_{r,i}$)を求め、次に(2)式にしたがって累積熱(Q_t)を算出した⁸⁾。

$$Q_{r,i} = Q_i^{\text{cal}} - (Q_{d,i} + Q_{m,i}) \quad \dots \dots \dots \quad (1)$$

$$Q_t = \sum_i Q_{r,i} \quad \dots \dots \dots \quad (2)$$

ここでの Q_i^{cal} ：注入毎での測定熱量、 $Q_{r,i}$ ：注入毎でのCHPとBSAの反応熱、 $Q_{d,i}$ ：注入毎でのCHPおよびBSAの希釈熱、 $Q_{m,i}$ ：注入毎でのBSAの注入に伴う機械的な熱、 Q_t ：CHPとBSAの累積反応熱を示す。

Fig.5は、この累積熱(Q_t)を熱量計セル中のBSAの全濃度 $[BSA_t]$ に対してプロットした結果を示す。これらの実測値を結んだ曲線はLigand結合等温曲線の形状を示し、この結果は、CHPとBSAとの間に(3)式および(4)式で示す結合平衡が成立することを示唆する。この平衡が成立すると仮定すると、累積熱(Q_t)は(5)式および(6)式で表わされる^{9, 10)}。



$$K = \frac{[\text{CHP-BSA}]}{[\text{CHP}_f][\text{BSA}_f]} \quad \dots \dots \dots \quad (4)$$

ここでの K ：結合定数、 $[\text{CHP}_f]$ ：遊離のCHP濃度、 $[\text{BSA}_f]$ ：遊離のBSA濃度、 $[\text{CHP-BSA}]$ ：CHP-BSA複合体濃度を示す。

$$Q_1 = \Delta H_b [\text{BSA}_b] V \quad \dots \dots \dots \quad (5)$$

$$Q_t = \frac{B + C [BSA_t] - \{(B + C [BSA_t])^2 - D [BSA_t]\}^{1/2}}{A} \quad (6)$$

$$A = \frac{2K}{V\Delta H_b}, \quad B = 1 + [CHP_t]nK, \quad C = K, \quad D = 4[CHP_t]nK^2$$

ここでの Q_t : 積累反応熱, ΔH_b : 結合エンタルピー (BSA 1 mol 当たり), V : 反応体積, $[BSA_b]$: 結合している BSA 濃度, n : CHP の結合サイト数, $[CHP_t]$: 全 CHP 濃度, $[BSA_t]$: 全 BSA 濃度を示す。

(6) 式に示す累積熱 (Q_1) は K , n および ΔH_b の 3 種の未知数を含んでいるけれども、BSA の全濃度 [BSA_t] の関数として表わされている。したがって、Fig.3 の実測値を結んだ曲線は (6) 式で表示されることになる。そこで、(6) 式を用いて Fig.5 の実験値に対する最適合化曲線をコンピューターによる非線形最小二乗法から求めた¹¹⁾。得られた最適合化曲線を Fig.5 に実線で示す。この曲線から未知数である K , n , および ΔH_b を算出し、次に、(7) 式および (8) 式を用いて、この反応での標準自由エネルギー変化量 (ΔG°) ならびに標準エントロピー変化量 (ΔS°) を求めた¹²⁾。

$$\Delta G^\circ = -RT \ln K \quad \dots \dots \dots \quad (7)$$

得られた K , n および熱力学量を一括して **Table 1** に示す。
 n 値からは, CHP の~11 分子に対して BSA の 1 分子が結合することが示される。1つの CHP 分子集合体が約 10 分子の CHP から構成されていることを考慮すると²⁾, CHP 分子集合体にはほぼ 1 分子の BSA が取り込まれていることが示唆される。また、高い K 値からは、CHP と BSA の結合が強固であることが示唆される。 ΔH_b , ΔG° および ΔS° 値を比較すると、CHP 分子集合体への BSA の取り込み機構は、負値の ΔH_b がもたらすエンタルピー効果に基づくことが明らかにされる。

本研究に用いた恒温型および走査型の2種の高感度熱量計は、感度的に約1オーダーの違いがある。そこで、CHP分子集合体に取り込まれたBSAの熱構造転移を高感度示差走査熱量測定から検討するために、この測定に見合より

Table 1 Thermodynamics of incorporation of BSA into CHP self-aggregates (25 °C, phosphate buffer, pH 7.0).

$\frac{K}{M^{-1}}$	n	ΔH° kJ mol ⁻¹	ΔG° kJ mol ⁻¹	ΔS° kJ K ⁻¹ mol ⁻¹
8.5×10^7	0.088	-98.3	-45.3	-0.18

濃度の高いCHP分子集合体-BSA複合体試料を以下の方法にしたがって調製した：(2.1)で調製したCHP分子集合体溶液(CHP濃度：22 μM, 7 ml)に(2.2)で調製したBSA溶液(172 μM, 3.2 ml)を加え25 ℃で12時間攪拌した。その後、Sephacryl S-200HRカラム(2.5 × 100 cm)によるゲルろ過によって、CHP分子集合体-BSA複合体のみを分取した。上述のゲルろ過の結果をFig.6に示すが、BSAの分画試料の吸光度(Abs.)を溶出量(ml)に対してプロットする。この図に示すように吸光度(Abs.) vs. 溶出量(ml)曲線はCHP分子集合体-BSA複合体(120 ~ 165 ml)と単量体BSA(165 ~ 230 ml)の2つのピークに分離される。そこで、このゲルろ過によって単離されたCHP分子集合体-BSA複合体溶液を限外濾過法(Grace社製, ULTRAFILTRATION)によって濃縮し、目的濃度のCHP分子集合体-BSA複合体溶液を作成した。得られた複合体のみを含む溶液中のBSA濃度は $4.03 \sim 4.09 \times 10^{-5}$ Mである。

上述の方法にしたがって調製されたCHP分子集合体-BSA複合体試料(a)の高感度示差走査熱量測定の結果を単量体BSA(b)との比較においてFig.7に示す。単量体BSAは熱構造転移(天然状態から熱変性状態)に基づく吸熱ピークを示すが⁵⁾, CHP分子集合体-BSA複合体においては、この転移ピークはまったく検出されない。この結果をもたらす原因として2つのことがあげられる。1つは、BSAがCHP分子集合体内部に取り込まれることによって、そのタンパク質の立体構造が壊されることである。もう1

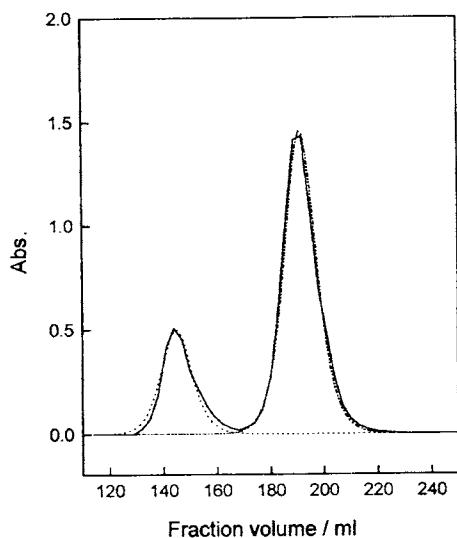


Fig.6 Gel filtration of the CHP-BSA complex by a Sephadryl S-200HR in phosphate buffer solution (pH 7.0).

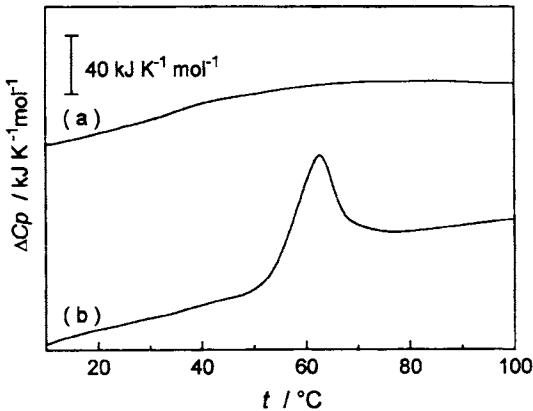


Fig.7 Excess heat capacity, ΔC_p , versus temperature, t , curves of the CHP-BSA complex (a) and free BSA (b) in phosphate buffer solution (pH 7.0).

つは、CHPの糖鎖水酸基がプロトン供容体として作用することで、BSAとの間に直接あるいは水を介した水素結合を形成し、その結果、このタンパク質が熱的に著しく安定化(熱運動が制限)されることである。この二者択一の問題には、CHP分子集合体内部に取り込まれたBSAの構造が大きく関わる。そこで、CHP分子集合体内部に取り込まれたBSAの構造的知見を得るために、CDスペクトル測定を行った。

Fig.8は単量体BSA (a), DSC前(高温を経験していない試料)のCHP分子集合体-BSA複合体(b)およびDSC後(高温を経験した試料)のCHP分子集合体-BSA複合体(c)の遠紫外領域(200~250 nm)でのCDスペクトルを示す。単量体BSA (a)は206~208 nmと222 nmに大きな負の楕円率を示し、これは α -ヘリックス構造を有するタンパク質に特有のスペクトルである¹³⁾。このスペクトルから見積もられた単量体BSAの α -ヘリックス含量は約60%であり¹⁴⁾、実際、X線構造解析からは、このタンパク質が分子内に18個の α -ヘリックス構造を形成していることが報告されている¹⁵⁾。一方、CHP分子集合体-BSA複合体スペクトル(b)から見積もられたBSAの α -ヘリックス含量は約50%であり、したがって、CHP分子集合体内に取り込まれたBSAの二次構造は多少(約10%程度)ではあるが壊れていることが示唆される。また、DSC前と後でのCHP分子集合体-BSA複合体のCDスペクトルを比較すると、両者は、似かよったスペクトルを示す。以上のCDスペクトルの結果からは、CHP分子集合体に取り込まれたBSAの立体構造はわずかしか壊れていないこと、また、100 °Cという高温を経験したにもかかわらず、その構造はほとんど変化しないことが明らかにされる。したがって、CHP分子

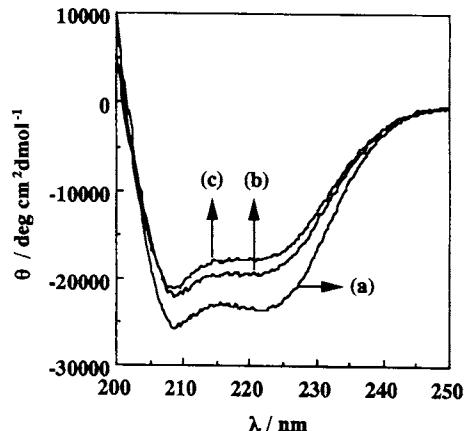


Fig.8 CD spectra of free BSA (a) and CHP-BSA complex (b) in phosphate buffer solution (pH 7.0) at 25 °C. Spectrum (c) shows the result at 25 °C for a sample of the CHP-BSA complex after DSC up to 100 °C.

集合体に取り込まれたBSAは、上述したような方法で形成される水素結合によって熱的に安定化されると考えられる。

最後に、以上の結果をもとにして高感度恒温滴定型熱量測定で得られたCHP分子集合体とBSAとの負の反応熱(ΔH_b ; Table 1参照)を考察する。CHP分子集合体内に取り込まれたBSAの二次構造は多少しか壊れていないという結果を考慮すると、取り込まれることによるこのタンパク質の構造変化の ΔH_b への寄与は小さいと考えられる。したがって、 ΔH_b の負の値には、CHPの糖鎖とBSA間での水素結合形成が大きく寄与するのであろう。この方向からは、BSAを取り込むことによって、CHP自体の構造安定化がもたらされることも考えられる。この構造安定化は、負の反応熱を伴うであろう。したがって、本研究の負の反応熱は、取り込まれたゲストBSAではなく、取り込む側すなわちホストCHP分子集合体の構造変化が大きく関与することが示唆される。また、Table 1に示す負の標準エンタロピー変化量(ΔS°)は、BSAを取り込むことによって、水素結合形成に直接関与するCHP糖鎖の自由度が減少することが起因していると考えられる。

文 献

- I) K. Akiyoshi and J. Sunamoto, "Organized Solutions Surfactants in Science and Technology", (S. E. Friberg, B. Lindman, ed.), Marcel Dekker, Inc., (1992), p.290.

- 2) K. Akiyoshi, S. Deguchi, N. Moriguchi, S. Yamaguchi and J. Sunamoto, *Macromolecules* **26**, 3062 (1993).
- 3) T. Nishikawa, K. Akiyoshi and J. Sunamoto, *Macromolecules* **27**, 7654 (1994).
- 4) M. Dubois, K. Gilles, K.J. Hamilton, A.P. Rebers and F. Smith, *Anal. Chem.* **28**, 350 (1956).
- 5) M. Kodama, S. Takebayashi, S. Kidokoro and H. Uedaira, *Netsu Sokutei* **19**, 163 (1992).
- 6) H.A. Sober and R.A. Harte, (Eds.), "Handbook of Biochemistry (Selected Data for Molecular Biology)", 2nd ed., p.C-71.CRC Press, Cleveland, OH, (1973).
- 7) M.G Nordmark, J. Laynez, A. Schon, J. Suurkuusk and I. Wadsö, *J. Biochem. Biophys. Methods* **10**, 187 (1984).
- 8) G. Ramsay, R. Prabhu and E. Freire, *Biochemistry* **25**, 2265 (1986).
- 9) E. Freire, O.L. Mayorga and M. Straume, *Anal. Chem.* **62**, 950 (1990).
- 10) M. Myers, O.L. Mayorga, J. Emtage and E. Freire, *Biochemistry* **26**, 4309 (1987).
- 11) J.A. Nelder and R. Mead, *Comput. J.* **7**, 308 (1965).
- 12) A. Chen and I. Wadso, *J. Biochem. Biophys. Methods* **6**, 30 (1982).
- 13) G. Holzwarth and P. Doty, *J. Am. Chem. Soc.* **87**, 218 (1965).
- 14) K. Takeda, M. Shigeta and K. Aoki, *J. Colloid Interface Sci.* **1**, 117 (1987).
- 15) J.R. Brown, *Fed. Proc.* **34**, 591 (1975).

要 旨

天然多糖プルランの100 単糖当たりに1.7 個のコレステロール基を導入した疎水化プルラン (CHP) は、水溶液中で分子集合体を形成し、そのヒドロゲル状中心部に水溶性タンパク質を取り込むことが明らかにされている¹⁾⁻³⁾。これに基づいて、本研究においては、CHP 分子集合体と牛血清アルブミン (BSA) の相互作用を高感度恒温滴定型熱量測定、高感度示差走査熱量測定および円偏光二色性スペクトル測定から検討した。測定温度25 °Cでの恒温熱量測定からは、CHP 分子集合体への BSA の取り込みは発熱現象を伴い、それは BSA1 モル当たり -98 kJ のエンタルピー変化量 (ΔH_f)、 $8.5 \times 10^7 \text{ M}^{-1}$ の結合定数、11 分子の CHP から構成された1つの CHP 分子集合体に対して BSA1 分子の飽和化学量論的当量によって特性化されることが示された。その他の測定からは、CHP 分子集合体に取り込まれた BSA は、10 %程度のヘリックス構造の減少を示し、100 °Cまでの昇温においても熱構造転移を示さないことが明らかにされた。これらの結果より、本研究の反応はエンタルピー効果に基づき、これにはゲスト BSA を取り込むことによってホストとしての CHP 分子集合体の構造変化が関係し、おそらく CHP 糖鎖とこの親水性タンパク質との間での分子間水素結合形成が関与していることが示唆された。その結果、水素結合された BSA は少なくとも温度100 °Cまでに渡って熱的に安定化されることが考察された。